

/organism="Listeria monocytogenes EGD-e"
/mol_type="unassigned DNA"
db_xref="taxon:169963"

Pls. mail with Office Action
6/10/07

Db	121	AAAGAAAAGACCTTCAACTTCAACCAACTATAAAACACATCAAAAGGTCTAACACACA	180
Qy	233	AGTTTAAGCAGCTGTTTCCTGATGACAAATTTCCTCAGAGGTGAGCGAGCATTTGAA	292
181	AGTTTAAGCAGCTGTTTCCTGATGACAAATTTCCTCAGAGGTGAGCGAGCATTTGAA	240	
Db	293	ATGGAAGAACCTGAGCTTCAACGAAAGACAACTGGCTACTCTAACAAAGCTTAAAGTTGC	352
241	ATGGAAGAACCTGAGCTTCAACGAAAGACAACTGGCTACTCTAACAAAGCTTAAAGTTGC	300	
Qy	353	CATATTCACTCCATACCGATACGGATATGGCTGGTATGTTAACAAATTAACTGGTTAACAAATTAA	412
Db	301	CATATTCACTCCATACCGATATGGCTGGTATGTTAACAAATTAACTGGTTAACAAATTAA	360
Qy	413	ATTGCGAGTAAACATACCACTCCATACGGATCTACCCAAAACCTAAATTAACTTAACTT	472
361	ATTGCGAGTAAACATACCACTCCATACGGATCTACCCAAAACCTAAATTAACTTAACTT	420	
Db	473	CTGCACATGTTCAAACTTCAACCTCAAACTTCAACCTTCAACCTTCAAACTTAACTTAACTT	532
421	CTGCACATGTTCAAACTTCAACCTCAACCTTCAACCTTCAACCTTCAAACTTAACTTAACTT	480	
Qy	533	TACTTAATTGGCAACAGCTCAAGCTCAAGCTCAAGTGTAGTCAAAATTCACTGTTA	592
Db	481	TACTTAATTGGCAACAGCTCAAGCTCAAGTGTAGTCAAAATTCACTGTTA	540
Qy	593	ACTTATTAACTTCAACTTGGCGCGCAACACCTTCAACCTTCAACCTTAACTTAACTTAACTT	652
Db	541	ACTTATTAACTTCAACTTGGCGCGCAACACCTTCAACCTTAACTTAACTTAACTTAACTTAACTT	600
Qy	653	TTAACCGAGCTGAGCTGCCATTAAATAAAAAAATCACCAAAATTGAGTGTGACACACACA	712
Db	601	TTAACCGAGCTGAGCTGCCATTAAATAAAAAAATCACCAAAATTGAGTGTGACACACACA	660
Qy	713	ACTCAATTAAACCTTAGCTGCTGTTAAATAAATACCTGAAATTGAGTGTAACTCTCAA	772
Db	661	ACTCAATTAAACCTTAGCTGCTGTTAAATAAATACCTGAAATTGAGTGTAACTCTCAA	720
Qy	773	AATTAACCTGAACTCTPAAACCTGGACACTAAATAACTAAACTGAGCTCTCAAC	832
721	AATTAACCTGAACTCTPAAACCTGGACACTAAATAACTAAACTGAGCTCTCAAC	780	
Db	833	CAAAATATCCTAACTTCTCAATTCTCTCAGTAACTTCAACCTAAACCTAACTGTTA	892
781	CAAAATATCCTAACTTCTCTCAGTAACTTCAACCTAAACCTAACTGTTA	840	
Qy	893	ACCCGGTTACAGTTAACATATTGTTGAGCTGAAATCTCTTAACCTGAAATTAGTGTA	952
841	ACCCGGTTACAGTTAACATATTGTTGAGCTGAAATCTCTTAACCTGAAATTAGTGTA	900	
Db	953	GTAATCTGGCTTCAAAATTAACTACAGTACATATTGTTGAGCTGAAATCTCTTAACCTGAAATTAGTGTA	1012
901	GTAATCTGGCTTCAAAATTAACTACAGTACATATTGTTGAGCTGAAATCTCTTAACCTGAAATTAGTGTA	960	
Qy	1013	GACCTAACACACAAACACAAATTAACTATTTCAAGCTGAACTGTTGAAATTAAATA	1072
Db	961	GACCTAACACACAAACAAACCTTAAATTACTCTGAGCTGAACTGTTGAAATTAAATA	1020
Qy	1073	GACCTTGATGTCAGCTAACTACAAATTAACTTAACTTCAAGCTGAACTGTTGAAATTAAATA	1132
Db	1021	GACCTTGATGTCAGCTAACTACAAATTAACTTCAAGCTGAACTGTTGAAATTAAATA	1080
Qy	1133	ACAGATGGATGCTTCAACAAACCTTAAATTACTCTGAGCTGAACTGTTGAAATTAAATA	1192
1081	ACAGATGGATGCTTCAACAAACCTTAAATTACTCTGAGCTGAACTGTTGAAATTAAATA	1140	
Db	1193	CTAACGGAAATTACAGCTTCCATACACAAAGCTGAAAGTTGCTTGGCTAAATGGC	1252
Db	1141	CTAACGGAAATTACAGCTTCCATACACAAAGCTGAAAGTTGCTTGGCTAAATGGC	1200
Qy	1253	CACCTCCAGACTCTCTCTCTCTGTTAAATTCTGCTCCCTAACATAATTGGGGCT	1312
1201	CACCTCCAGACTCTCTCTGTTAAATTCTGCTCCCTAACATAATTGGGGCT	1260	

Qy	1313	GGGGGAAACATCAGTGCCTAAGAACCTTTAACACAAACAGCTTGACATTGCA	1372	Qy	2393	TACATTATAACGAAAACACAAACACAGATCACCTTACCAACTAAACACTACGAAAC	2452					
Db	1261	GGGGGAAACATCAGTGCCTAAGAACCTTTAACACAAACAGCTTGACATTGCA	1320	Db	2341	TACATTATAACGAAAACACAAACACAGATCACCTTACCAACTAAACACTACGAAAC	2400					
Qy	1373	GTTAGCCGTAATTATAGATCAGTCAGTGGAAATCGTGAATTCGAGAACCGC	1432	Qy	2453	ACCACCAACCCAGCAGTCATCTTAAGAACACAGCTTGAAATAGCTCAGTAC	2512					
Db	1321	GTTAGCCGTAATTATAGATCAGTCAGTGGAAATCGTGAATTCGAGAACCGC	1380	Db	2401	ACCACCAACCCAGCAGTCATCTTAAGAACACAGCTTGAAATAGCTCAGTAC	2460					
Qy	1433	GTTGTGACCCAGCAAAATACATACCTCGGAAATCTCACACGACATCCA	1492	Qy	2513	CTTACCAAACAGCGATTCCCACATGGAAATAGCTCTACTTGGGTATCCATCA	2572					
Db	1381	GTTGTGACCCAGCAAAATACATACCTCGGAAATCTCACACGACATCCA	1440	Db	2461	CTTACCAAACAGCGATTCCCACATGGAAATAGCTCTACTTGGGTATCCATCA	2520					
Qy	1493	GCGTAACTTACTTCACTTCGAAACCGTATAGTGAACCTAACCTCCA	1552	Qy	2573	TCCACGGCTCTAGTTCTGAAAAGAAAAATAAG	2608					
Db	1441	GCGTAACTTACTTCACTTCGAAACCGTATAGTGAACCTAACCTCCA	1500	Db	2521	TCCACRGCTCTAGTTCTGAAAAGAAAAATAAG	2556					
Qy	1553	TGTAAGCACCTAACCCATAAAGGAGAAAGCTCACAGTACATACCTGATGACA	1612	RESULT 5								
Db	1501	TGTAAGCACCTAACCCATAAAGGAGAAAGCTCACAGTACATACCTGATGACA	1560	W COMMENT								
Qy	1613	GGAGAAAATTGGCGTAGTGAAGAGTCTTACGTTAATTCGATCTTACTCT	1672	Sequence split into 29 fragments LOCUS AE017262								
Db	1561	GGAGAAAATTGGCGTAGTGAAGAGTCTTACGTTAATTCGATCTTACTCT	1620	Fragment Name	Begin	End	Accession AE017262					
Qy	1673	AGGCCAAAGCATCCAGATACTTAACTTAACTAGCACTTACGTTAATTCGAT	1732	AE017262_00	0	1	AE017262					
Db	1621	AGGCCAAAGCATCCAGATACTTAACTTAACTAGCACTTACGTTAATTCGAT	1680	AE017262_01	100001	210000	AE017262					
Qy	1733	TTCACCAACTTACTGGCACTCCCTAACCTACCTTAACTTAACTAGCCTCAG	1792	AE017262_02	200001	310000	AE017262					
Db	1681	TTCACCAACTTACTGGCACTCCCTAACCTACCTTAACTTAACTAGCCTCAG	1740	AE017262_03	300001	410000	AE017262					
Qy	1793	CCTGTAACCGTTAAATTACTGGCACTTAACTGGCACTTAACTGGCAAAATTAA	1852	AE017262_04	400001	510000	AE017262					
Db	1741	CCTGTAACCGTTAAATTACTGGCACTTAACTGGCACTTAACTGGCAAAATTAA	1800	AE017262_05	500001	610000	AE017262					
Qy	1853	AACGGAAATGGGCACTTAACTGGCACTTAACTGGCACTTAACTGGCTTACACATA	1912	AE017262_06	600001	710000	AE017262					
Db	1801	AACGGAAATGGGCACTTAACTGGCACTTAACTGGCACTTAACTGGCTTACACATA	1860	AE017262_07	700001	810000	AE017262					
Qy	1913	TCCGCCAACACCAACATCACTGGCACTTAACTGGCACTTAACTGGCTTACACAT	1972	AE017262_08	800001	910000	AE017262					
Db	1861	TCCGCCAACACCAACATCACTGGCACTTAACTGGCACTTAACTGGCTTACACAT	1920	AE017262_09	900001	1010000	AE017262					
Qy	1973	ATTTACAAAAACTTACGAGTGTGAAATTCTCTATGGCTTACGAGTGTGAA	2032	AE017262_10	1000001	1110000	AE017262					
Db	1921	ATTTACAAAACTTACGAGTGTGAAATTCTCTATGGCTTACGAGTGTGAA	1980	AE017262_11	1100001	1210000	AE017262					
Qy	2033	GATATAAACACTTAACCTTAACTTACGAGTGTGAAATTCTCTATGGCTTACACCG	2092	AE017262_12	1200001	1310000	AE017262					
Db	1981	GATATAAACACTTAACCTTAACTTACGAGTGTGAAATTCTCTATGGCTTACACCG	2040	AE017262_13	1300001	1410000	AE017262					
Qy	2093	ACTGACCCAAACATATCGAGGCTTAACTTACACGGCTTAACTGGCTTACACCG	2152	AE017262_14	1400001	1510000	AE017262					
Db	2041	ACTGACCCAAACATATCGAGGCTTAACTTACACGGCTTAACTGGCTTACACCG	2100	AE017262_15	1500001	1610000	AE017262					
Qy	2153	ACTTAACCAACATCACTGGCACTTAACTGGCTTACACGGCTTAACTGGCTTACACCG	2212	AE017262_16	1600001	1710000	AE017262					
Db	2101	ACTTAACCAACATCACTGGCACTTAACTGGCTTACACGGCTTAACTGGCTTACACCG	2160	AE017262_17	1700001	1810000	AE017262					
Qy	2213	GACCGATAACAGTGTAACTGGCTTACACGGCTTAACTGGCTTACACGGCTTAACTGGCTTACACCG	2272	AE017262_18	1800001	1910000	AE017262					
Db	2161	GACCGATAACAGTGTAACTGGCTTACACGGCTTAACTGGCTTACACGGCTTAACTGGCTTACACCG	2220	AE017262_19	1900001	2010000	AE017262					
Qy	2273	TTAACCGAAACCTGGCACTTAACTGGCTTACACGGCTTAACTGGCTTACACGGCTTACACCG	2332	AE017262_20	2000001	2110000	AE017262					
Db	2221	TTAACCGAAACCTGGCACTTAACTGGCTTACACGGCTTAACTGGCTTACACGGCTTACACCG	2280	AE017262_21	2100001	2210000	AE017262					
Qy	2333	TTATCCCGAACCAACATTCGAGCTTAACTGGCTTACACGGCTTAACTGGCTTACACCG	2392	AE017262_22	2200001	2310000	AE017262					
Db	2281	TTATCCCGAACCAACATTCGAGCTTAACTGGCTTACACGGCTTAACTGGCTTACACCG	2340	AE017262_23	2300001	2410000	AE017262					
Qy	2341	TACATTATAACGAAAACACAAACACAGATCACCTTACCAACTAAACACTACGAAAC	2452	AE017262_24	2400001	2510000	AE017262					
Db	2393	TACATTATAACGAAAACACAAACACAGATCACCTTACCAACTAAACACTACGAAAC	2400	AE017262_25	2500001	2610000	AE017262					
Qy	2453	ACCCACCAACCCAGCAGTCATCTTAAGAACACAGCTTGAAATAGCTCAGTAC	2512	AE017262_26	2600001	2710000	AE017262					
Db	2401	ACCCACCAACCCAGCAGTCATCTTAAGAACACAGCTTGAAATAGCTCAGTAC	2460	AE017262_27	2700001	2810000	AE017262					
Qy	2513	CTTACCAAACAGCGATTCCCACATGGAAATAGCTCTACTTGGGTATCCATCA	2572	AE017262_28	2800001	2900000	AE017262					
Db	2461	CTTACCAAACAGCGATTCCCACATGGAAATAGCTCTACTTGGGTATCCATCA	2520	Continuation 729 of 291 of AE017262 from base 2800001 (AE017262 Listeria monocytogenes)								
Qy	2573	TCCACGGCTCTAGTTCTGAAAAGAAAAATAAG	2608	Query Match Similarity	83.2%	Score 2197.6;	DB 15;	Best Local Similarity				
Db	2521	TCCACRGCTCTAGTTCTGAAAAGAAAAATAAG	2556	0;	Pred. No.	0;	Mismatches					
Qy	2573	TCCACGGCTCTAGTTCTGAAAAGAAAAATAAG	2608	0;	Mismatches	114;	Indels					
Db	2521	TCCACRGCTCTAGTTCTGAAAAGAAAAATAAG	2556	2;	Conservative	2;						
Qy	1	TAAACCGCTTAACTTAACTGTTACCTGTTACCTGTTACCTGTTACCTGAAAC	60	Pls mail w/ office Action								
Db	67562	TAAACCGCTTAACTTAACTGTTACCTGTTACCTGTTACCTGAAAC	67621	6-10-07								
Qy	61	TACTAAATTAATTTGCTTACCTGTTACCTGTTACCTGTTACCTGAAAC	120									
Db	67622	TCTTAAATTAATTTGCTTACCTGTTACCTGTTACCTGAAAC	67681									
Qy	121	ATTCGAGCAGTGTGAGCTGTTACCTGTTACCTGAAATCTGTTACCTGTTAC	180									
Db	67682	ATTCGAGCAGTGTGAGCTGTTACCTGTTACCTGAAATCTGTTACCTGTTAC	67741									
Qy	181	ATCTCACTCAACATTAACCTGTTACCTGTTACCTGTTACCTGAAATCTGTTAC	240									
Db	67742	ATCTCACTCAACATTAACCTGTTACCTGTTACCTGTTACCTGAAATCTGTTAC	67801									